LEGNO 2 - 1ª LISTA DE EXERCÍCIOS

PARTE I - CONCEITUAL

1) Utilizando as propriedades do somatório, mostre que a soma dos desvios de uma variável aleatória qualquer X com respeito a sua média $\bar{X}$ é igual a zero.

Seja uma variável aleatória $X = (x_1, x_2, \ldots, x_n)$

Queremos verificar $\sum_{i=1}^{n} (x_i - \bar{x}) \stackrel{?}{=} 0$

Pela definição de média, sabemos que $\bar{X} = \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i \Rightarrow \sum_{i=1}^{n} x_i = n\bar{x}$ (1)

Pelas propriedades do somatório

$\sum_{i=1}^{n} (x_i - \bar{x}) = \sum_{i=1}^{n} x_i - \sum_{i=1}^{n} \bar{x} = \sum_{i=1}^{n} x_i - n\bar{x} = 0$ ∎

2) Explique com suas palavras, em, no máximo, 2 ou 3 linhas curtas, o que é:

a. Processo Gerador de Dados (PGD)
b. A diferença entre parâmetro e estimador
c. Erro Amostral e Erro Não Amostral
d. Propriedades de Linearidade do estimador de mínimos (MLS 1)
e. Propriedades de que os indivíduos assumindo são independentes e identicamente distribuídos (iid), e respectivo propriedade do modelo de regressão (MLS2)
f. Propriedades de que não há colinearidade perfeita entre os regressores (MLS)
g. Propriedade de ortogonalidade e média condicional zero (MLS4)
h. Propriedade de homocedasticidade (MLS5)
i. Propriedades de Heteroscedasticidade (MLS5)

a) O PGD é o mecanismo que gera os dados do mundo real.

b) Parâmetros são quantidades populacionais, em geral desconhecidas, estáticas são quantidades estimadas para os parâmetros, frequentemente a partir de amostras

c) Erros são componentes aleatórios que fazem que pessoas idênticas (i.e., com as mesmas características) apresentem diferenças na variável de interesse. Desvios são quantidades estimadas: valor observado - estimado

d) Podemos estimar a variável de interesse, y, da parte de uma combinação linear das colunas de uma matriz X.

e) Suposição de amostragem aleatória, ou seja, a inclusão de um indivíduo na amostra não tem qualquer relação com a inclusão do outro.

f) Nenhum regressor pode ser uma combinação linear exata de um ou mais regressores.

g) O erro se distribui de forma aleatória, de forma independente dos regressores X.

h) Os erros possuem a mesma variância para todos os valores das variáveis explicativas

i) $Var(u|x) = \sigma^2$, i.e., o erro tem a mesma variância para qualquer valor da variável explicativa.

3) Vamos tratar agora da importância da cláusula *ceteris paribus* e do pressuposto de exogeneidade (ML4). Responda cada item em, no máximo, um parágrafo.

a. O que significa a cláusula *ceteris paribus* e por que ela é importante?
b. Por que a satisfação de exogeneidade permite a interpretação dos coeficientes de regressão como efeitos causais?
c. Por que a regressão omitida torna mais fácil satisfazer o pressuposto de exogeneidade?
d. O que acontece quando violamos o pressuposto de exogeneidade?

a) A cláusula *ceteris paribus* significa "tudo mais constante". Importante porque queremos medir o efeito isolado de uma particular covariável na variável resposta - ou seja, saber com y varia dada uma variação em X.

b) Satisfazer a exogeneidade significa dizer que estamos controlando por todas as variáveis que afetam y, de modo que o erro se distribuirá aleatoriamente, de forma independente das regressoras. Não havendo outras interferências, os coeficientes medirão o efeito causal dos regressores como "categoria de referência".

c) Se estamos controlando o constante passa a ser possível anexar uma dummy adicionada do seu omitido, ao mesmo tempo, uma dummy adicionada de seu omitido. Por que isso ocorre? Por que a omissão da constante torna desnecessária a existência de uma categoria de referência?

a) A inclusão de duas variáveis idênticas acarreta colinearidade perfeita - com isso, $(X'X)$ se torna uma matriz singular, e não conseguimos estimar β

b) Quando temos uma variável binária como o sexo só podemos incluir uma das dummies como regressor para evitar colinearidade perfeita com o intercepto (coluna de 1's). Se incluímos as duas dummies, teremos intercepto = $\text{dummy}_H + \text{dummy}_M$.

c) Ao suprimir o intercepto, eliminamos o problema da colinearidade perfeita, porque a soma das dummies não possui mais um correspondente em X.

5) Derive o estimador da Regressão Linear Simples utilizando o Método dos Momentos (i.e. demonstre o passo a passo matemático, demonstre como se chega à fórmula). Não use vetores e matrizes (objetos típicos de Álgebra Linear) – use apenas da Álgebra que aprendemos no Ensino Médio e das Propriedades do Somatório. Faça todos os passos à mão e indique quando cada um dos pressupostos do Modelo Linear foi utilizado.

Assume a disponibilidade de uma amostra aleatória $\{(x_i, y_i)\}_{i=1}^{n}$; A regressão linear simples pode ser escrita como → por ML 1

$$y_i = \beta_0 + \beta_1 x_i + u_i \quad (1)$$

Assim como em modelagem (2020), vamos assumir os estimadores β_0 e β_1 partindo do pressuposto da exogeneidade - ML 4

$E[u_i] = 0$, e também $Cov(x_i, u_i) = E[x_i u_i] = 0$

Podemos reescrever (1) como $u = y - \beta_0 - \beta_1 x$, e então temos que

$E[y - \beta_0 - \beta_1 x] = 0$ (2) e $E[x(y - \beta_0 - \beta_1 x)] = 0$ (3)

As equivalências amostrais dos momentos (2) e (3):

$$\frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n}(y_i - \hat{\beta}_0 - \hat{\beta}_1 x_i) = 0 \quad (4) \qquad \text{e} \qquad \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i(y_i - \hat{\beta}_0 - \hat{\beta}_1 x_i) = 0 \quad (5)$$

Podemos reescrever (4) para encontrar $\hat{\beta}_0$:

$$\frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} y_i - \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n}\hat{\beta}_0 - \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n}\hat{\beta}_1 x_i = 0 \Rightarrow \bar{y} - \hat{\beta}_0 - \hat{\beta}_1\bar{x} = 0$$
$$\Rightarrow \hat{\beta}_0 = \bar{y} - \hat{\beta}_1\bar{x} \quad (6)$$

Agora basta substituir (6) em (5) para encontrar $\hat{\beta}_1$:

$$\frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i\left(y_i - (\bar{y} - \hat{\beta}_1\bar{x}) - \hat{\beta}_1 x_i\right) = 0 \Rightarrow \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i\left(y_i - \bar{y} + \hat{\beta}_1\bar{x} - \hat{\beta}_1 x_i\right) = 0$$

$$\Rightarrow \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i(y_i - \bar{y}) + \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n}\hat{\beta}_1\bar{x}(\bar{x} - \hat{\beta}_1 x_i) = 0 \Rightarrow$$

$$\Rightarrow \frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i(y_i - \bar{y}) = \hat{\beta}_1\frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} x_i(x_i - \bar{x}) \Rightarrow \hat{\beta}_1 = \frac{\sum_{i=1}^{n} x_i(y_i - \bar{y})}{\sum_{i=1}^{n} x_i(x_i - \bar{x})}$$

ou ainda, $\hat{\beta}_1 = \frac{\sum_{i=1}^{n}(x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}{\sum_{i=1}^{n}(x_i - \bar{x})^2}$, usando as propriedades do somatório

$\because \sum_{i=1}^{n} x_i(x_i - \bar{x}) = \sum_{i=1}^{n}(x_i - \bar{x})(x_i - \bar{x})$

$\sum_{i=1}^{n} x_i(x_i - \bar{x}) = \sum_{i=1}^{n}(x_i - \bar{x})^2 + \sum_{i=1}^{n}\bar{x}(x_i - \bar{x})$ (ao contrário)

$+ \sum_{i=1}^{n}(x_i - \bar{x})^2$,

6) Derive o estimador da Regressão Linear Múltipla utilizando o Método dos Momentos (i.e. demonstre o passo a passo matemático, demonstre como se chega à fórmula). Use vetores e matrizes. Faça todos os passos à mão e indique quando cada um dos pressupostos do Modelo Linear foi utilizado.

Por ML 1, escrevemos $\vec{y} = X\vec{\beta} + \vec{e}$. Queremos isolar $\vec{\beta}$.

Por ML 3, assumimos que não há colinearidade perfeita e que $X'X$, portanto, é inversível.

$$\vec{y} = X\vec{\beta} + \vec{e} \Rightarrow X'y = X'X\vec{\beta} + X'\vec{e}$$
$$\Rightarrow (X'X)^{-1}X'y = (X'X)^{-1}X'X\vec{\beta} \Rightarrow \vec{\beta} = (X'X)^{-1}X'y$$

* Como não estamos falando em variáveis, ainda não precisamos atar o pressuposto de homocedasticidade, ML 5.

7) Derive o estimador da Regressão Linear Simples utilizando o Método dos Mínimos Quadrados. Use Cálculo, derivadas e propriedades do somatório. Faça todos os passos à mão.

Em geral, queremos minimizar uma particular função de erro. No MQO, em particular, queremos minimizar a distância quadrática entre o y verdadeiro (y_i) e o y estimado ($\hat{y}_i$).

Por ML1, $\hat{y}_i = \beta_0 + \beta_1 x_i + u_i$, $i = 1, \ldots, n$, numa amostra aleatória $\{(x_i, y_i)\}_{i=1}^{n}$ → ML 2

Queremos minimizar a seguinte função $Q(\beta_0, \beta_1)$:

$$Q(\beta_0, \beta_1) = \sum_{i=1}^{n}(y_i - \hat{y}_i)^2 = \sum_{i=1}^{n}(y_i - \beta_0 - \beta_1 x_i)^2$$

Das condições de primeira ordem, temos:

$$\begin{cases} \frac{\partial Q}{\partial \beta_0} : -2\sum_{i=1}^{n}(y_i - \beta_0 - \beta_1 x_i) = 0 \\ \frac{\partial Q}{\partial \beta_1} : -2\sum_{i=1}^{n} x_i(y_i - \beta_0 - \beta_1 x_i) = 0 \end{cases}$$

→ parte de dizer que com β_0 e β_1 (i.e., o ponto de erro com esses dois parâmetros é mínimo)

Note que chegamos precisamente às mesmas equações do exercício 5 e, portanto, chegaremos precisamente aos mesmos estimadores para β_0 e β_1. Independente como cheguei, portanto, o que eles foram resolvendo vamos particularizar.

8) Os estimadores obtidos nos exercícios 5 e 7 são idênticos. Mas quais as diferenças conceituais entre o Método dos Momentos e o Método dos Mínimos quadrados? Responda em, no máximo, um parágrafo.

As diferenças conceituais principais estão na motivação para encontrar $\hat{\beta}$. O método dos momentos encontra $\hat{\beta}$ garantindo momentos populacionais e momentos amostrais, o MQO, por outro lado, encontra $\hat{\beta}$ minimizando o erro quadrático entre o y observado e o y estimado.

Lego 2 – 1ª Lista de Exercícios

Parte 2: Prática

Felipe Lamarca

2025-10-05

Agora, passemos à parte prática da lista, na qual desenvolveremos algumas análises em `R` utilizando um banco de dados com informações a respeito dos municípios brasileiros em 1991, como a expectativa de vida ao nascer, população do município, Índice de Gini etc. De saída, vamos começar importando as bibliotecas necessárias, organizando um setup e lendo o arquivo que será utilizado na análise:

```
# importa as libs
library(tidyverse)
library(stargazer)

# remove o uso de e^
options(scipen = 999)

# leitura do arquivo
expectativaVida = read.csv("dados/dados_expectativaVida.csv")
```

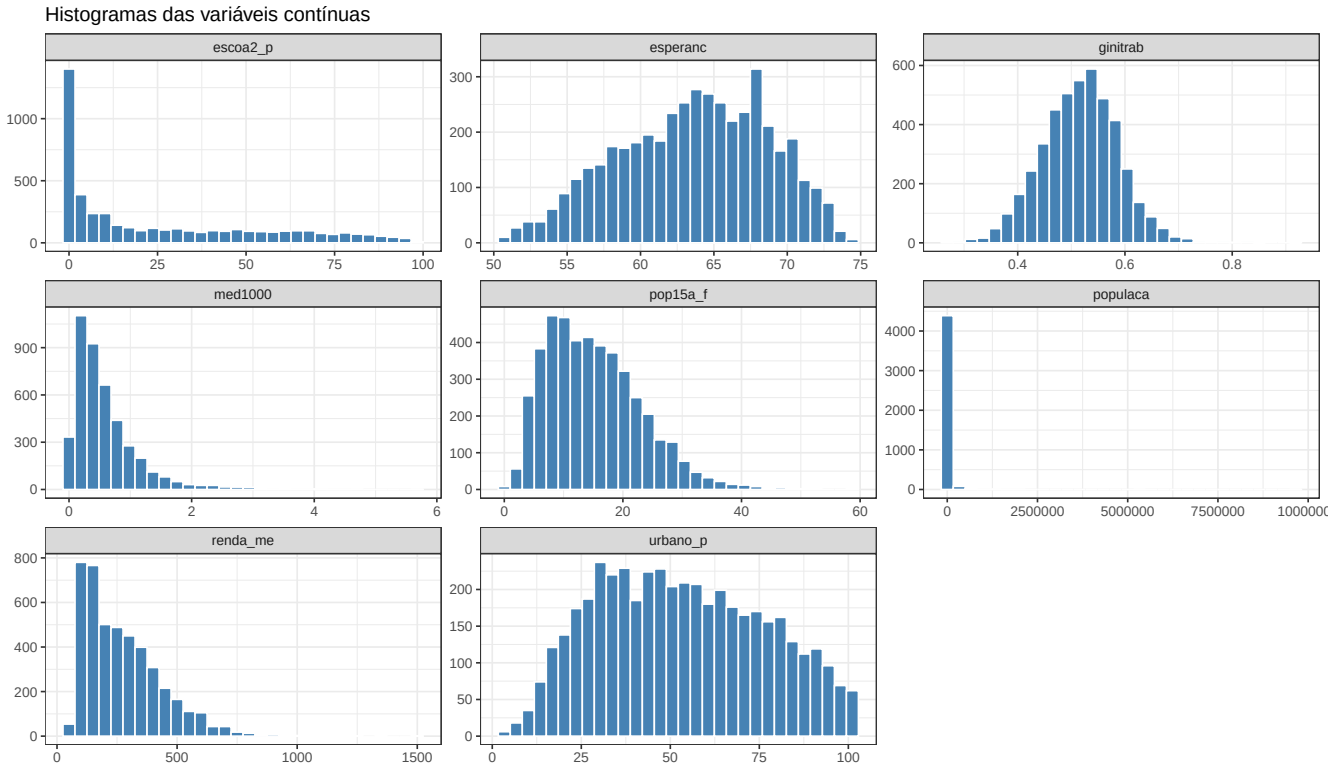
O *output* do código abaixo é uma série de histogramas, uma para cada variável contínua do banco de dados sob análise:

```
# seleciona apenas as variáveis contínuas
dados_cont <- expectativaVida %>%
  select(esperanc, populaca, ginitrab, renda_me,
         escoa2_p, urbano_p, med1000, pop15a_f)

# transforma em formato longo pro facet
dados_long <- dados_cont %>%
  pivot_longer(cols = everything(),
               names_to = "variavel",
               values_to = "valor")

# plota todos os histogramas em facets
  ggplot(dados_long, aes(x = valor)) +
  geom_histogram(bins = 30, fill = "steelblue", color = "white") +
  facet_wrap(~ variavel, scales = "free", ncol = 3) +
  labs(title = "Histogramas das variáveis contínuas",
```

```
       x = NULL, y = NULL) +
  theme_bw(base_size = 11)
```



Há alguns pontos que valem destaque. Em particular, está claro que a grande parte dos municípios brasileiros possui população (`populaca`) bem pequenas; além disso, boa parte também possui um baixo percentual de domicílios com esgotamento sanitário (`escoa2_p`). Vejamos na tabela abaixo algumas estatísticas descritivas para cada variável do banco:

```
# tabela com as estatisticas descritivas
desc = data.frame(
  variavel = names(expectativaVida),
  media = sapply(
    expectativaVida,
    function(x) if (is.numeric(x)) mean(x, na.rm = TRUE) else NA_real_
    ),
  mediana = sapply(
    expectativaVida,
    function(x) if (is.numeric(x)) median(x, na.rm = TRUE) else NA_real_
    ),
  desvio_padrao = sapply(
    expectativaVida,
    function(x) if (is.numeric(x)) sd(x, na.rm = TRUE) else NA_real_
    ),
  n_validos = sapply(
    expectativaVida,
```

```
    function(x) sum(!is.na(x))
    ),
  row.names = NULL
)

# numero de linhas
n = nrow(expectativaVida)

# proporcao de linhas validas (acho util, em particular)
desc$prop_validos = (desc$n_validos / n) * 100

# plot bonitinho da tabela
stargazer(
  desc,
  type = "text",
  summary = FALSE,
  title = "Estatísticas Descritivas",
  digits = 2,
  rownames = FALSE
)
```

```
Estatísticas Descritivas
=================================================================
variavel   media   mediana desvio_padrao n_validos prop_validos
-----------------------------------------------------------------
esperanc   63.63    64.05      5.08        4,491       100
populaca 32,693.27 12,407   187,705.20     4,491       100
ginitrab   0.52     0.52       0.07        4,491       100
renda_me  274.29   238.57     164.68       4,491       100
escoa2_p   25.42    11.68      28.52       4,491       100
urbano_p   53.14    51.67      23.26       4,491       100
med1000    0.60     0.44       0.55        4,332      96.46
norte      0.07       0        0.25        4,491       100
centrooe   0.08       0        0.28        4,491       100
sul        0.19       0        0.40        4,491       100
nordeste   0.34       0        0.47        4,491       100
pop15a_f   15.14    14.08      7.96        4,491       100
-----------------------------------------------------------------
```

De fato, como já havíamos observado no histograma da variável `populaca`, os municípios têm, em geral, pequena população. Note, por exemplo, que 50% dos municípios possui população menor que 12.407 habitantes; há, no entanto, municípios com alta população, o que se reflete no desvio padrão. A esperança de vida ao nascer, nossa variável resposta para os exercícios subsequentes, tinha média 63.63 naquele ano. A coluna `prop_validos` também nos ajuda a compreender o percentual de observações daquela coluna que possuem valor *missing*.

Agora vamos rodar as regressões! Para ajustar alguns dos modelos a seguir, vamos implementar uma função de regressão linear *from scratch* em `R`. A função retorna os coeficientes da regressão (i.e. o vetor β), os erros-padrão desses coeficientes, seus p-valores, e algumas estatísticas próprias do modelo, como o R^2, a variância dos resíduos e seu desvio-padrão (`RMSE`):

```
linear_model = function(formula, data = expectativaVida) {

  dependent_variable = as.character(formula[[2]])

  X = model.matrix(formula, data = data)
  y = data[[dependent_variable]]

  # beta estimado: \hat{\beta} = (X^T X)^{-1} X^T y
  beta_hat = solve( t(X) %*% X ) %*% t(X) %*% y

  # y estimado a partir do modelo: \hat{y} = X \hat{\beta}
  y_hat = X %*% beta_hat

  # residuals sao a diferenca entre y 'verdadeiro' e y estimado
  residuals = y - y_hat

  n = nrow(X)
  k = ncol(X)

  # erro quadratico medio
  var_residuals = sum(residuals^2) / (n - k)

  # raiz do erro quadratico medio
  RMSE = sqrt(var_residuals)

  # R-squared, ou proporcao da variancia explicada pelo modelo
  total_variance = var(y)
  R2 = 1 - var_residuals / total_variance

  # sob homocedasticidade (ML.5), var(\beta) = \sigma^2 (X^T X)^{-1}
  # onde a equivalencia de \sigma^2 para a amostra é a variância dos residuos
  varcov_beta_hat = var_residuals * solve( t(X) %*% X )
  se_beta_hat = sqrt(diag(varcov_beta_hat))

  # teste de hipotese para o p-valor
  H0 = 0 # teste contra a H0 de o efeito ser nulo
  t = (beta_hat - H0) / se_beta_hat
  p_valor = 2 * (1 - pnorm(abs(t)))

  coefs <- data.frame(
    Coeficientes = colnames(X),
    Estimativas = round(as.numeric(beta_hat), 4),
    Erros_padrao = round(se_beta_hat, 4),
```

```
    t = t,
    p_valor = p_valor,
    row.names = NULL,
    check.names = FALSE
  )

  list(
    coefs = coefs,
    R2 = R2,
    RMSE = RMSE,
    var_residuals = var_residuals
  )
}
```

A primeira regressão ajustada inclui apenas a variável de desigualdade de renda como variável explicativa (`genitrab`) da esperança de vida ao nascer. Vejamos:

```
print(linear_model(formula = esperanc ~ ginitrab))
```

```
$coefs
  Coeficientes Estimativas Erros_padrao          t p_valor
1  (Intercept)     58.4775       0.5485 106.606577       0
2     ginitrab      9.9553       1.0509   9.473201       0

$R2
[1] 0.01938121

$RMSE
[1] 5.030641

$var_residuals
[1] 25.30735
```

Vale a pena testar se nossos resultados são idênticos aos obtidos quando usamos a função nativa do `R` para ajustar modelos lineares, `lm()`:

```
summary(
  lm(
    formula = esperanc ~ ginitrab,
    data = expectativaVida
    )
  )
```

```
Call:
lm(formula = esperanc ~ ginitrab, data = expectativaVida)
```

```
Residuals:
     Min       1Q   Median       3Q      Max
-13.9188  -3.8036   0.3425   3.9275  11.8394

Coefficients:
            Estimate Std. Error t value            Pr(>|t|)
(Intercept)  58.4775     0.5485 106.607 <0.0000000000000002 ***
ginitrab      9.9553     1.0509   9.473 <0.0000000000000002 ***
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 5.031 on 4489 degrees of freedom
Multiple R-squared:  0.0196,    Adjusted R-squared:  0.01938
F-statistic: 89.74 on 1 and 4489 DF,  p-value: < 0.00000000000000022
```

São idênticos, felizmente! Podemos interpretar nossos resultados com tranquilidade.

O intercepto é o valor da variável dependente quando as variáveis independentes são zero. Nesse caso, portanto, dizemos que, quando `ginitrab` é zero – isto é, não há desigualdade de renda do trabalho –, a expectativa de vida ao nascer é 58.5, em média. β_1, o coeficiente para `ginitrab`, indica que para o aumento em uma unidade de `ginitrab`, a expectativa de vida cresce em 9.95 anos. Esse resultado deveria ser estranho a qualquer cientista: estamos dizendo, em essência, que o aumento da desigualdade leva a um aumento na expectativa de vida. Trata-se, muito provavelmente, de um viés de variável omitida, mas voltaremos a essa questão oportunamente.

Os erros-padrão dos coeficientes são pequenos, o que nos leva a p-valores baixos, muito próximos de zero. Os efeitos, portanto, são estatisticamente significativos. O R-squared é baixo, então a variância explicada pelo modelo é pequena – ou seja, `ginitrab` sozinho explica pouco da variabilidade da variável resposta. Além disso, o erro médio das previsões é de 5 anos, conforme o valor do RMSE.

Agora, façamos uma pequena modificação na variável explicativa, multiplicando-a por 100.

```r
expectativaVida = expectativaVida %>%
  mutate(
    ginitrab100 = ginitrab * 100
  )

reg1 = lm(formula = esperanc ~ ginitrab100, data = expectativaVida)

summary(reg1)
```

```
Call:
lm(formula = esperanc ~ ginitrab100, data = expectativaVida)

Residuals:
     Min       1Q   Median       3Q      Max
```

```
-13.9188  -3.8036   0.3425   3.9275  11.8394

Coefficients:
            Estimate Std. Error t value            Pr(>|t|)
(Intercept) 58.47755    0.54854 106.607 <0.0000000000000002 ***
ginitrab100  0.09955    0.01051   9.473 <0.0000000000000002 ***
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 5.031 on 4489 degrees of freedom
Multiple R-squared:  0.0196,    Adjusted R-squared:  0.01938
F-statistic: 89.74 on 1 and 4489 DF,  p-value: < 0.00000000000000022
```

A multiplicação não muda nada do ponto de vista estatístico, embora possa facilitar a interpretação dos resultados em certos casos. No caso em que não fizemos a multiplicação por 100, dizíamos que, aumentando `ginitrab` em uma unidade, aumentávamos a expectativa de vida em mais de 9 anos. Mas como `ginitrab` era uma variável contínua entre 0 e 1, estávamos indo de um cenário extremo para outro (de 0 para 1). Quando multiplicamos por 100, podemos dizer que o aumento em uma unidade do Índice de Gini leva a um incremento da expectativa de vida em 0.099 ano. Isso ainda não faz sentido do ponto de vista qualitativo, é claro, mas deixa a interpretação do coeficiente mais informativa.

Agora vamos lidar com o problema do viés de variável omitida. Em particular, vamos incluir a renda domiciliar per capita média como variável explicativa e analisar os coeficientes. Primeiro, vamos ajustar um modelo usando a função que criamos *from scratch*:

```r
reg2_mine = linear_model(formula = esperanc ~ ginitrab100 + renda_me)
print(reg2_mine)
```

```
$coefs
  Coeficientes Estimativas Erros_padrao          t              p_valor
1  (Intercept)     60.5965       0.4036 150.152844 0.000000000000000000
2  ginitrab100     -0.0574       0.0081  -7.081885 0.000000000001421974
3     renda_me      0.0219       0.0004  62.168859 0.000000000000000000

$R2
[1] 0.4730019

$RMSE
[1] 3.687888

$var_residuals
[1] 13.60052
```

Vamos checar se o resultado é o mesmo quando usamos `lm()`:

```r
reg2 = lm(formula = esperanc ~ ginitrab100 + renda_me, data = expectativaVida)
summary(reg2)
```

```
Call:
lm(formula = esperanc ~ ginitrab100 + renda_me, data = expectativaVida)

Residuals:
     Min       1Q   Median       3Q      Max
-26.1536  -2.5072   0.1249   2.6296  10.0669

Coefficients:
              Estimate Std. Error t value             Pr(>|t|)
(Intercept) 60.5965070  0.4035655 150.153 < 0.0000000000000002 ***
ginitrab100 -0.0574135  0.0081071  -7.082      0.00000000000164 ***
renda_me     0.0218646  0.0003517  62.169 < 0.0000000000000002 ***
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 3.688 on 4488 degrees of freedom
Multiple R-squared:  0.4732,    Adjusted R-squared:  0.473
F-statistic:  2016 on 2 and 4488 DF,  p-value: < 0.00000000000000022
```

Tudo certo! Vejamos os resultados, então. Agora, finalmente, temos um coeficiente para `ginitrab100` que faz mais sentido (dessa vez, negativo). Quando aumentamos o Índice de Gini em uma unidade e mantemos o resto fixo, a expectativa de vida ao nascer decresce, em média, em 0.05 ano. Além disso, para uma unidade que incrementamos na renda per capita média do município – mantendo o resto fixo –, a expectativa de vida ao nascer cresce em 0.02 ano. Todos os coeficientes são estatisticamente significativos e possuem baixo erro-padrão. Além disso, o R-squared é substantivamente melhor do que o observado no primeiro modelo.

A interpretação do coeficiente para `ginitrab100` é diferente porque, antes, não controlávamos por outras variáveis que afetavam tanto a expectativa de vida quanto `ginitrab100`, como a renda per capita média. Nesse caso, havia pelo menos uma variável confundidora, `renda_me`, que enviesava a estimativa do beta para `ginitrab100`.

Vamos incluir mais variáveis no modelo para verificar como os resultados se comportam. Dessa vez, vamos incluir `log(populaca)`:

```r
reg3 = lm(
  formula = esperanc ~ ginitrab100 + renda_me + log(populaca),
  data = expectativaVida
  )

summary(reg3)
```

```
Call:
lm(formula = esperanc ~ ginitrab100 + renda_me + log(populaca),
    data = expectativaVida)

Residuals:
     Min       1Q   Median       3Q      Max
-29.5079  -2.2982   0.1263   2.5502  10.2874

Coefficients:
                Estimate Std. Error t value             Pr(>|t|)
(Intercept)   68.9810535  0.5866102 117.593 < 0.0000000000000002 ***
ginitrab100   -0.0447944  0.0078263  -5.724          0.0000000111 ***
renda_me       0.0235496  0.0003497  67.351 < 0.0000000000000002 ***
log(populaca) -0.9984062  0.0523691 -19.065 < 0.0000000000000002 ***
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 3.547 on 4487 degrees of freedom
Multiple R-squared:  0.5127,    Adjusted R-squared:  0.5124
F-statistic:  1574 on 3 and 4487 DF,  p-value: < 0.00000000000000022
```

Ao incluir `log(populaca)`, as estimativas dos betas para `ginitrab100` e `renda_me` não se alteraram grosseiramente. Os coeficientes são todos estatisticamente significativos, e tivemos um ganho não-ignorável no R-squared. Ao incluir a variável da população na escala logarítmica, estamos comprimindo a escala dessa variável para evitar que o modelo seja muito sensível à alta variância dessa covaríavel. Vimos entre as estatísticas descritivas, por exemplo, que o desvio-padrão da população dos municípios é altíssima.

Para interpretar o coeficiente de `log(populaca)`, precisamos levar em consideração algumas propriedades do logaritmo. Em particular, devemos usar a seguinte aproximação, conforme demonstrado em…

$$\log(X_{\text{final}}) - \log(X_{\text{inicial}}) = \log\left(\frac{X_{\text{final}}}{X_{\text{inicial}}}\right) \approx \log\left(\frac{X_{\text{final}} - X_{\text{inicial}}}{X_{\text{inicial}}}\right) = \log\left(\frac{\Delta X}{X_{\text{inicial}}}\right),$$

presumindo que ΔX é suficientemente pequeno. Dito de outro modo, podemos interpretar o coeficiente da variável na escala log em termos de variação percentual. Portanto, a cada uma unidade de `log(populaca)` que aumentamos a população em 1%, controlando pelas demais variáveis, diminuímos a expectativa de vida ao nascer em aproximadamente 0.0099 ano, em média.

Por fim, vamos ajustar um modelo com todas as covariáveis disponíveis:

```r
formula_ = esperanc ~ ginitrab100 + renda_me + log(populaca) + escoa2_p +
  urbano_p + med1000 + pop15a_f + norte + centrooe + sul + nordeste

reg4 = lm(
  formula = formula_,
  data = expectativaVida
  )

summary(reg4)
```

```
Call:
lm(formula = formula_, data = expectativaVida)

Residuals:
    Min      1Q  Median      3Q     Max
-9.1851 -1.9687  0.1669  2.1229  9.1558

Coefficients:
                Estimate Std. Error t value             Pr(>|t|)
(Intercept)   67.6369495  0.5171727 130.782 < 0.0000000000000002 ***
ginitrab100   -0.0294642  0.0067134  -4.389  0.00001166656782484 ***
renda_me       0.0081743  0.0005242  15.595 < 0.0000000000000002 ***
log(populaca) -0.4789586  0.0505342  -9.478 < 0.0000000000000002 ***
escoa2_p       0.0212725  0.0025488   8.346 < 0.0000000000000002 ***
urbano_p      -0.0239271  0.0029920  -7.997  0.00000000000000162 ***
med1000       -0.1784613  0.0947582  -1.883               0.0597 .
pop15a_f       0.1467231  0.0115450  12.709 < 0.0000000000000002 ***
norte         -2.1534272  0.2196830  -9.802 < 0.0000000000000002 ***
centrooe      -1.2653372  0.1969555  -6.424  0.00000000014662483 ***
sul            1.1204752  0.1410866   7.942  0.00000000000000252 ***
nordeste      -4.5303204  0.1503863 -30.125 < 0.0000000000000002 ***
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Residual standard error: 2.879 on 4320 degrees of freedom
  (159 observations deleted due to missingness)
Multiple R-squared:  0.6785,    Adjusted R-squared:  0.6777
F-statistic:   829 on 11 and 4320 DF,  p-value: < 0.00000000000000022
```

Os ganhos são claros: temos um R-squared de 0.68, e praticamente todos os coeficientes são estatisticamente significativos, com exceção de `med1000`. O coeficiente da renda per capita média do município perdeu magnitude, um resultado provavelmente resultante da correlação entre essa variável e as demais variáveis do modelo. Quando as demais variáveis não eram incluídas, `renda_me` assumia parte desses efeitos. Algo semelhante ocorreu, inclusive, com a variável `log(populaca)`.

Observe também as variáveis categóricas do modelo. Note, em particular, que não foi incluída a variável `sudeste`, que de fato sequer existia no banco de dados. Como discutimos na parte conceitual desta lista, a inclusão da variável `sudeste` introduziria colinearidade perfeita no modelo e impediria o cálculo dos coeficientes. A consequência, aqui, é que Sudeste é a categoria de base. Do ponto de vista interpretativo, observamos que o fato de o município fazer parte da região Sul está, em média, associado a maiores expectativas de vida ao nascer do que no Sudeste; observamos o contrário, no entanto, para as regiões Centro-Oeste, Norte e sobretudo Nordeste.

A tabela abaixo sistematiza os resultados de todos os modelos ajustados em uma única tabela para facilitar a visualização dos resultados. Outra alternativa seria apresentar os coeficientes graficamente.

```r
stargazer(reg1, reg2, reg3, reg4,
          type = "text",
          title = "Modelos de Regressão Linear ajustados",
          dep.var.labels = "Esperança de Vida",
          column.labels = c("Modelo 1", "Modelo 2", "Modelo 3", "Modelo 4"),
          digits = 3,
          omit.stat = c("f", "adj.rsq", "ll", "aic"))
```

```
Modelos de Regressão Linear ajustados
================================================================================================
                                            Dependent variable:
                        ----------------------------------------------------------------------
                                                Esperança de Vida
                            Modelo 1          Modelo 2          Modelo 3          Modelo 4
                               (1)               (2)               (3)               (4)
------------------------------------------------------------------------------------------------
ginitrab100                 0.100***          -0.057***         -0.045***         -0.029***
                             (0.011)           (0.008)           (0.008)           (0.007)

renda_me                                      0.022***          0.024***          0.008***
                                              (0.0004)          (0.0003)           (0.001)

log(populaca)                                                   -0.998***         -0.479***
                                                                 (0.052)           (0.051)

escoa2_p                                                                          0.021***
                                                                                   (0.003)

urbano_p                                                                          -0.024***
                                                                                   (0.003)

med1000                                                                            -0.178*
                                                                                   (0.095)

pop15a_f                                                                          0.147***
                                                                                   (0.012)

norte                                                                             -2.153***
                                                                                   (0.220)

centrooe                                                                          -1.265***
                                                                                   (0.197)

sul                                                                               1.120***
                                                                                   (0.141)
```

nordeste				-4.530***
				(0.150)
Constant	58.478***	60.597***	68.981***	67.637***
	(0.549)	(0.404)	(0.587)	(0.517)
Observations	4,491	4,491	4,491	4,332
R2	0.020	0.473	0.513	0.679
Residual Std. Error	5.031 (df = 4489)	3.688 (df = 4488)	3.547 (df = 4487)	2.879 (df = 4320)
Note:				*p<0.1; **p<0.05; ***p<0.01

Por fim, um último comentário: embora o modelo 4 inclua uma série de covariáveis importantes que nos ajudam a compreender o comportamento da expectativa de vida, ele ainda não tem interpretação causal. De fato, estamos controlando por uma série de variáveis, mas não por todas; certamente há outros fatores que afetam não apenas a variável de interesse, como também as variáveis independentes – isso inclui, por exemplo, questões associadas à política local, repasses financeiros do governo federal e governos estaduais para os municípios, fatores conjunturais e assim por diante. Isso não altera o fato, no entanto, de que o modelo 4 está mais próximo de oferecer uma explicação causal do que o modelo 1.